

MySkin®サービス 皮膚の細菌叢解析

メタゲノム解析

アプローチに応じたメタゲノム解析の組み合わせはいかがでしょうか？
一度の抽出で複数の解析ができるので、抽出料金がお得！

細菌叢16S rRNA 遺伝子解析

全ての細菌が持っている16S rRNA遺伝子をターゲットに解読を行います。
細菌叢に含まれる細菌の種類と存在比率を測定します。

真菌叢ITS解析

rRNA遺伝子間のITS（内部転写）領域と呼ばれる配列をターゲットに解読を行います。
16S rRNAを持たない真菌でも種類と存在比率を解析することができます。

アクネ菌タイピング解析

アクネ菌の種類（株レベル）を分類することができます。

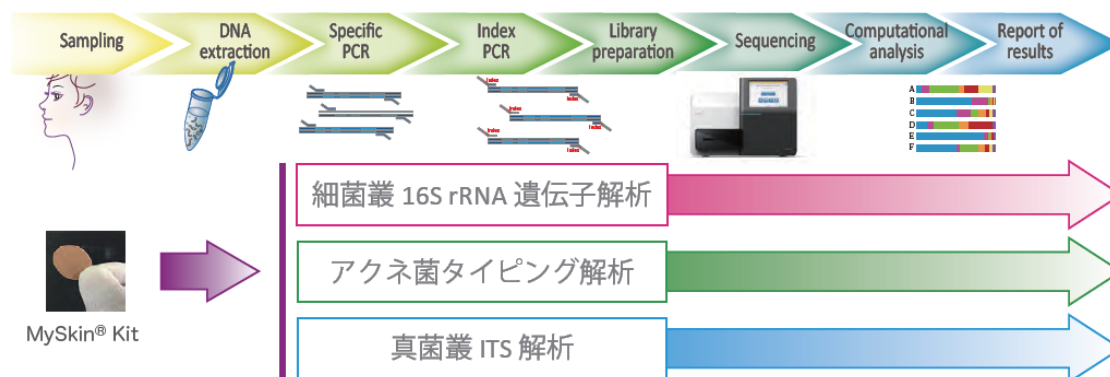
たとえば……

16S rRNA解析+ITS解析

→細菌と真菌の両方から微生物叢について詳細にアプローチできます。

16S rRNA解析+アクネ菌タイピング解析

→皮膚状態に大きく関わるアクネ菌に特化したアプローチができます。



解析に関するご要望（QIIME2を用いた解析など）も承っております。
お気軽にご相談ください。

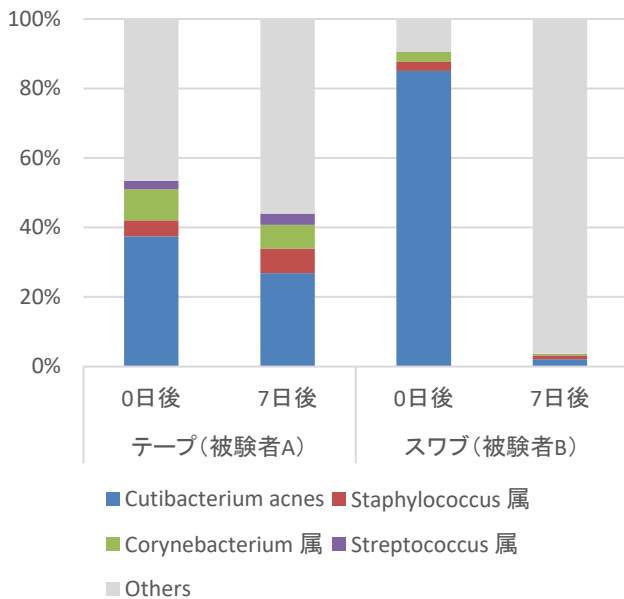
MySkin[®]キットが選ばれる理由

従来の採取方法（スワブ法）の問題点

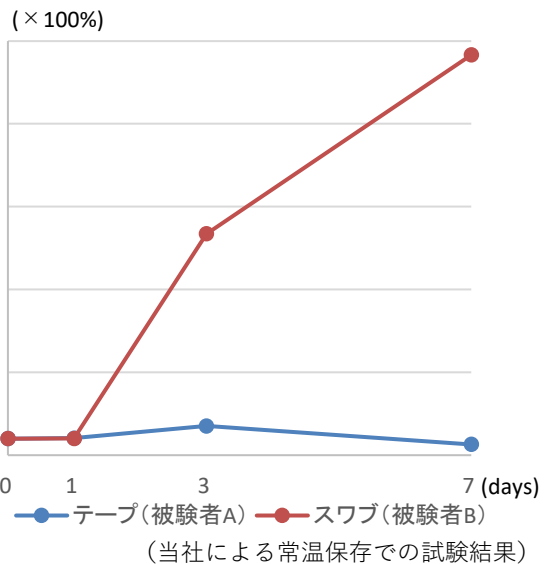
- ・採取時に皮膚を強くこする必要がある
- ・採取者により採取量が異なり、定量的な分析が難しい
- ・採取後は低温保存が必要



細菌叢組成比



16SrRNAコピー数 (0日目を100%とした際の割合)



東京大学白髭研究室と当社の共同研究によって開発された

MySkin[®]キット (特許出願中)

- ・操作が簡単で習熟の必要性なし
- ・優れた定量性
採取部位の面積、採取効率が固定されている
> 相対的な細菌数の変動をモニタリングできます
- ・高い保存性
室温のまま1週間保存しても4℃保存と同等
> 常温で輸送可能



皮膚だけでなく、ドアノブ等テープを貼れる場所であればどこからでも採取可能です。
頭皮用キットもご用意しております。
スワブでの解析も承っております。